

## Programm Workshop 2013

### Donnerstag 26.09.

---

10:00 Begrüßung

10:15 T. Hankeln: [Bioinformatische Anwendungen für Next Generation Sequencing](#) (Bericht)

10:45 M. Krupp: [Bioinformatische Werkzeuge zur Untersuchung der biologischen Funktion repetitiver DNA in Eukaryoten](#) (Bericht)

11:15 W. Stöcker: [Computer unterstützte Docking- und Mutagenese-Untersuchungen der Interaktionen von Astacin-Proteasen und ihren natürlichen Hemmstoffen](#) (Bericht)

12:00 Mittagessen

13:15 Wahl des Koordinationsausschusses

13:30 N. Sfakianakis: [Numerische Untersuchung von Taxis-Diffusions-Reaktions-Gleichungen mit Anwendungen in der Modellierung von Krebs](#) (Bericht & Antrag Sfakianakis / Hellmann / Lukacova)

14:00 G. Diezemann: [Dynamik reversibel gebundener Wasserstoffbrückennetzwerke unter dem Einfluß externer Kräfte: Molekulardynamik-Simulationen Untersuchungen an Catenanstrukturen](#) (Bericht / Antrag Diezemann)

14:30 S. Meyer: [Modellierung verzweigter Störungszonen in der Erdkruste](#) (Bericht & Antrag Kaus / Passchier)

15:00 Kaffeepause

15:30 J. Markl: [3D-Electron Microscopy of Protein Complexes](#) (Bericht)

16:00 R. Lehmann: [Effiziente Behandlung von Nichtlinearitäten in großskaligen 3D Simulationen geodynamischer Prozesse](#) (Bericht)

16:30 Kaffeepause

17:00 E. Thines: From fungus to fungicide - Drug research at the IBWF (Vorstellungsvortrag)

17:30 S. Kramer: Exploring Molecular Phenomics (Vorstellungsvortrag & Antrag Kramer)

18:00 Abendessen

19:15 Plenumsdiskussion

### Freitag 27.09.

---

09:00 J. Werner: Evolution von Endothermie (Antrag Griebeler / Sfakianakis)

09:20 E. Schömer: Detection and Visualization of Key Structures in Complex Meteorological Flows (Antrag Schömer / Wirth)

09:40 R. Brenk: Verbesserung von Scoring-Funktionen und Behandlung der Protein- Flexibilität beim molekularen Docking an Hand von FabF als Modellsystem (Antrag Brenk / Hildebrandt)

10:00 B. Schmidt: Design, Implementation and Evaluation of a new Approach for Somatic Variation Calling from Short Read Data (Antrag Schmidt / Brinkmann)

10:20 Kaffeepause

10:50 M. Simon: Bayesian Parameter Identification and Uncertainty Quantification in Systems Biology: A case study for the Drosophila Gap Gene System (Antrag Hanke-Bourgeois / Legewie / Sfakianakis)

11:10 P. Spichtinger: Strukturbildung in Wolken: Mathematische Analyse und inverse Modellierung (Antrag Spichtinger / Hanke-Bourgeois / Hildebrandt)

11:30 E. Althaus: Graph Grammars for Molecular Substructure Search (Antrag Althaus / Hildebrandt)

11:50 H. Tost: Superparameterised Convection in the Climate System (Antrag Tost / Spichtinger)

12:30 Mittagessen

13:30 Sitzung des Koordinationsausschusses